

## vorläufiges Programm Einführungskurs 2023

|                  |                            |  |
|------------------|----------------------------|--|
| Mittwoch, 14.06. |                            |  |
| 09:00            | M. Schäfer, T. Binder      | Theorie: HLA-Typisierung, Nomenklatur, Bedeutung für Transplantation       |
| 09:45            | Kaffeepause                |  |
| 10:00            | Mitarbeiter des HLA-Labors | Praktische Arbeit im Labor, Auswertung von HLA-Daten, Abschluss-Fragerunde |
| 19:00            | Alle                       | Grillabend in der Stefan-Morsch-Stiftung                                   |
|                  |                            |  |

## vorläufiges Programm Workshop 2023

|                           |  |   |
|---------------------------|--|---|
| <b>Donnerstag, 15.06.</b> |  |   |
| 08:30                     | B. Zimmer, M. Schäfer, W. Peter (Birkenfeld) | Begrüßung   |
| 09:00                     | T. Binder (Rostock)                          | Die Urmenschen in uns - Uralte HLA-Allele und -Haplotypen   |
| 09:30                     | G. Schlaf (Halle)                            | Der Festphasen-Kreuztest: Eine verpasste diagnostische Option                                       |
| 10:00                     | A. Doroshenko (Halle)                        | Wie sinnvoll ist die Verwendung der HLA-A-B-DR –Mismatchformel als Maß der HLA-Kompatibilität?      |
| 10:30                     | Kaffeepause, Industrie-Ausstellung           |   |
| 11:00                     | T. Arrieta-Bolanos (Essen)                   | HLA-Loss - Dem verlorenen Allel auf der Spur  |
| 11:30                     | V. Rebmann (Essen)                           | Einfluss der nicht-klassischen HLA-Produkte auf die Transplantation                                 |
| 12:00                     | N. Grünen (Birkenfeld)                       | Typisierung von HLA-H   |
| 12:30                     | Mittagspause                                 |   |
| 13:30                     | B. Vignolo (Martinsried)                     | Vorteile der Long-Read-Sequenzierung mit PacBio   |
| 14:00                     | Y. Busch (Birkenfeld)                        | HLA-Typisierung mit Nanopore  |
| 14:30                     | A. Holzer (Saarbrücken)                      | Möglichkeiten und Herausforderungen von Long-Read Sequenzierung                                     |
| 15:15                     | Kaffeepause, Industrie-Ausstellung           |   |
| 15:45                     | V. Klemis (Homburg)                          | SARS-CoV-2-spezifische T-Zellen in Forschung und Diagnostik   |
| 16:15                     | S. Jansen (Essen)                            | Long Covid  |
| 16:45                     | R. Jäger (Rheinbach)                         | Ein kostengünstiger In-house-Assay zur forensischen STR-Analytik                                    |
| 18:00                     | Tulip Grab'n Go (sponsored by GenDx)         |   |
| 20:00                     | gemeinsames Abendessen                       |   |
| <b>Freitag, 16.06.</b>    |  |   |
| 08:30                     | H. Biersack (Kulmbach)                       | SZT-Spenderauswahl aus klinischer Sicht   |
| 09:30                     | S. Grethe (LKA Mainz)                        | Einblicke in die forensische DNA-Analyse  |
| 10:30                     | Kaffeepause, Industrie-Ausstellung           |   |
| 11:00                     | C. Brendel (Marburg)                         | Molekularbiologische Methoden in der Hämatologie / Onkologie  |
| 11:30                     | T. Binder (Rostock)                          | Das Anti-IgLON 5-Syndrom in der klinischen Neurologie   |
| 12:00                     | E. Petershofen (Oldenburg)                   | Qualitätsmanagementaspekte im HLA-Labor: Einordnung von EFI-Zertifizierung und DAkkS-Akkreditierung |
| 13:00                     | M. Schäfer, W. Peter                         | Verabschiedung, Snack-Büffet  |